

Wizytówka naukowa kandydata na promotora

maksymalnie 2 strony – powinna to być synteza najważniejszych elementów dorobku

Imię i nazwisko, stopień, tytuł naukowy: Hanna Bolibok-Bragoszewska, dr hab.	
Dyscyplina naukowa/dyscypliny naukowe	Nauki biologiczne
Rozwój zawodowy (stopnie i tytuły naukowe) chronologicznie	magister inżynier – 1999 doktor nauk rolniczych – 2004 doktor habilitowany nauk biologicznych - 2016
Najważniejsze publikacje/patenty/ z ostatnich 3 lat (maksymalnie 10)	<p>1. Hawliczek A, Borzecka E, Tofil K, Alachiotis N, Bolibok L, Gawroński P, Siekmann D, Hackauf B, Dusinsky R, Svec M, Bolibok-Bragoszewska H. (2023) Biorvix DOI: https://doi.org/10.1101/2023.01.22.525081</p> <p>2. Rabanus-Wallace M, ..., Bolibok-Bragoszewska H, ..., Stein N. 2021. Chromosome-scale genome assembly provides insights into rye biology, evolution and agronomic potential. <i>Nature Genetics</i> 53: 564–573, DOI: https://doi.org/10.1038/s41588-021-00807-0</p> <p>3. Deep sampling and pooled amplicon sequencing reveals hidden genic variation in heterogeneous rye accessions Hawliczek A, Bolibok L, Tofil K, Borzęcka E, Jankowicz-Cieślak J, Gawroński P, Kral A, Till BJ, Bolibok-Bragoszewska H. (2020) <i>BMC Genomics</i> 21:845; DOI: https://doi.org/10.1186/s12864-020-07240-0</p> <p>4. Characterization of Lebanese germplasm of snake melon (<i>Cucumis melo</i> subsp. <i>melo</i> var. <i>flexuosus</i>) Using Morphological Traits and SSR Markers Merheb J, Pawełkiewicz M, Branca F, Bolibok-Bragoszewska H, Skarzynska A, Pląder W, Chalak L (2020) <i>Agronomy</i> 2020, 10, 1293; doi:10.3390/agronomy10091293</p>
Doświadczenie w pracy z doktorantami (obronione doktoraty, wszczęte przewody/postępowania), chronologicznie	Ewa Borzęcka: Wykorzystanie biblioteki BAC do integracji map fizycznych i genetycznych oraz identyfikacji genów związanych z udomowieniem i odpornością na choroby żyta. 2023.
Dorobek projektowy/grantowy (z ostatnich 10 lat)	1. Identyfikacja i charakterystyka genów warunkujących wykorzystanie fosforu u żyta (<i>Secale cereale</i> L) - rośliny o

	<p>wysokiej tolerancji niedoboru składników pokarmowych NCN, 2021-2024.</p> <p>2. Wpływ selekcji na genom rośliny uprawnej – identyfikacja i charakterystyka sekwencji, na które nakierowana była presja selekcyjna w trakcie udomowienia i hodowli żyta (<i>Secale cereale</i> L.) NCN, 2015-2022.</p> <p>3. Eksploracja regionów bogatych w geny u gatunku o dużym genomie (<i>Secale cereale</i> L.) z wykorzystaniem markerów DArT. NCN, 2013-2016</p> <p>4. Kompleksowa charakterystyka molekularna zróżnicowania genetycznego uprawnych i dzikich form w rodzaju <i>Secale</i>, MNiSW. 2010-2013</p>
<p>Zakres tematyczny – problem badawczy – do rozwiązania którego poszukuje się doktoranta</p>	<p>Analiza funkcjonalna żytnich genów związanych z pobieraniem i transportem fosforanów.</p>
<p><u>Dane kontaktowe:</u> Instytut Adres e-mail Telefon</p>	<p>Instytut Biologii, Katedra Genetyki, Hodowli i Biotechnologii Roślin hanna_bolibok_bragoszewska@sggw.edu.pl 225932174;</p>